

THL BIOPANKIN OMIKKADATAN SAATAVUUSTAULUKKO (18.3.2026)

Taulukoissa esitetyt luvut ovat arvioita saatavilla olevien erilaisten omiikkadatojen määrästä. Lisätietoja varten ota yhteyttä THL Biopankkiin osoitteessa biopankki (at) thl.fi.

1. Väestötutkimusaineistot

Tutkimuksen nimi	Imputoitu genotyyppi-data	Genotyyppi-data (sirudata)	WES (vcf)	WGS (vcf)	Metabolomiikka (NMR) *	Muu omiikkadata
FINRISKI 1992	4930	5200	1220	530	N/A	N/A
FINRISKI 1997	7030	7465	3150	1280	7600	N/A
FINRISKI 2002	7150	7460	5150	1980	7920	N/A
FINRISKI 2007	5200	5370	2420	670	6010	Proteomiikka: 15 (Olink)
FINRISKI: DILGOM 2007 (FINRISKI 2007 osallistujien uudelleenkuutsu)	4700 ***	4730 ***	2040 ***	560 ***	4815	Transkriptomiikka: 515 Metylaatiodata: 510 Telomeeridata:4070
FINRISKI: DILGOM 2014 (FINRISKI 2007 osallistujien uudelleenkuutsu)	1210 ***	1230 ***	N/A	N/A	1250 (1230 7 vuoden toistomittauksilla)	Transkriptomiikka: 325 (kaikki 7 vuoden toistomittauksilla)
FINRISKI 2012 **	5460	5800	1915	N/A	5520	Proteomiikka: 10 (Olink)
Terveys 2000	6550	7000	4690	205	7140	Telomeeridata: 7400
Terveys 2011	4400 (3840 myös H2000:ssa)	4700 (4000 myös H2000:ssa)	2500 (kaikki myös H2000:ssa)	210	4750 (3870 11 vuoden toistomittauksilla)	N/A
FinTerveys 2017	6100	6400	N/A	N/A	5290	Proteomiikka: 30 (Olink)

*NMR metabolomiikka on määritetty Nightingale Healthin alustalla

** FINRISKI 2012 luvut sisältävää aineiston FINRISKI: Kuusamolaisten terveystutkimus 2011

*** DILGOM 2007 ja 2014 on genotyyppitetty ja sekvensoitu FINRISKI 2007 näytteestä

2. Muut aineistot

Tutkimuksen nimi	Imputoitu genotyyppi-data	Genotyyppi-data (sirudata)	WES (vcf)	WGS (vcf)	Metabolomiikka (NMR) *	Muu omiikkadata
SUPER-tutkimus	8570	9020	8350	870	N/A	Proteomiikka: 125 (Olink) 10 (NULISA)
GeneRISK-tutkimus	6970	7270	N/A	N/A	N/A	Proteomiikka: 50 (Olink) Lipidomiikka: 7260
THL Biopankin GWAS-kohortti	152 400	153 000	33 500	5 800	37 300	Proteomiikka: 420 (Olink) 180 (NULISA) Lipidomiikka: 7250

*NMR metabolomiikka on määritetty Nightingale Healthin alustalla

Datatyypit:

- Imputoitu genotyyppidata FinnGen-projektin imputaatiosta saatavilla vcf-muodossa (GRCh38/hg38)
- Genotyyppidata (sirudata) saatavilla plink-muodossa (hg18/hg19/hg38) tai vcf-muodossa (GRCh38/hg38)
- WES data saatavilla vcf-muodossa (GRCh37/hg19 tai GRCh38/hg38)
- WGS data saatavilla vcf-muodossa (GRCh38/hg38)
- Transkriptomiikkadata DILGOM 2007 ja 2014-aineistoille saatavilla buildissa NCBI36/hg18

THL Biopankin imputointireferenssipaneeli, N=2827 (SISu v4 referenssipaneelin alaotos) on saatavilla vcf-muodossa (GRCh38/hg38) ainoastaan imputaatiokäyttöön, eikä ole linkitettävissä fenotyyppitietoihin.